

Código de barras de ADN y análisis de diversidad genética de comba (*Phaseolus lunatus*) de Tierra Caliente, Guerrero

DNA barcoding and genetic diversity analysis of Comba (*Phaseolus lunatus*) from Tierra Caliente, Guerrero

Valeria G. Vizcarra Manríquez¹, Julio C. Tafolla-Arellano^{*1}.

¹Laboratorio de Biotecnología y Biología Molecular, Departamento de Ciencias Básicas. Universidad Autónoma Agraria Antonio Narro. Calzada Antonio Narro 1923, CP 25315. Buenavista, Saltillo Coahuila, México.

Autor para correspondencia: jtafare@uaaan.edu.mx

RESUMEN

Phaseolus lunatus comúnmente conocida como “comba” representa la segunda especie comercial más importante de frijol en el mundo, solo después del frijol común (*Phaseolus vulgaris*), en algunos países como Estados Unidos de América y Perú tiene una gran importancia comercial. En México y en la región de Tierra Caliente Guerrero tiene un alto valor cultural ya que es fuente de alimento y actividad económica para los campesinos de dicha región. A pesar de la gran relevancia que tiene esta especie, aún no se han realizado estudios de caracterización de las semillas y tampoco existen análisis de diversidad genética. El objetivo de esta investigación es analizar la diversidad genética de 7 genotipos de comba (*Phaseolus lunatus*) de Tierra Caliente, Guerrero mediante código de barras de ADN. Se han seleccionado 7 genotipos provenientes de dicha región, conocidas como: 1. Comba Muy Violenta, 2. Comba Blanca Violenta, 3. Comba Flojo Ojo Negro, 4. Comba Pinta Violenta, 5. Comba Grande Ojo Negro, 6. Comba Blanca y 7. Comba Rayada. De los cuales se realizó extracción de ADN utilizando la técnica CTAB para posteriormente amplificarse con los marcadores moleculares; matK, rbcL, rp132-trnL, trnH-psbA e ITS2 y su secuenciación, que permitirá la realización del análisis de la diversidad genética.

Palabras clave: Frijol, matK, rbcL, rp132-trnL, trnH-psbA

