

# Patogenicidad potencial del virus del mosaico del tabaco (Tobacco mosaic virus) en chile habanero (*Capsicum chinense* Jacq.)

## Tobacco mosaic virus pathogenicity potential on habanero pepper (*Capsicum chinense* Jacq.)

Leila Minea Vásquez-Siller<sup>1</sup>, Yaneth Pacheco-Juárez<sup>1</sup>, David Sánchez-Aspeytia<sup>2</sup>, Alfonso López-Benítez<sup>1</sup>, Gerardo Santos Leyva-Mir<sup>3</sup>.

<sup>1</sup>Universidad Autónoma Agraria Antonio Narro, Calz. Antonio Narro 1923, CP 25315. Buenavista, Saltillo, Coahuila.

<sup>2</sup>Campo Experimental Saltillo-INIFAP, Carretera Saltillo- Zacatecas km. 342+119 # 9515 Hacienda de Buenavista, CP 25315.

<sup>3</sup>Universidad Autónoma de Chapingo, Campus Central Km 38.5, Carretera México - Texcoco Chapingo, CP 56230. Texcoco, Estado de México.

\*Autor para correspondencia: leilaminea@yahoo.com

### RESUMEN

El chile habanero ha incrementado su importancia económica, debido a su diversidad de usos, entre ellos la producción de capsaisina. El TMV causa pérdidas en Chile entre 20 y 100%. El objetivo de esta investigación fue determinar los efectos de la patogénesis del TMV en el crecimiento y desarrollo de plantas del chile habanero. Se evaluó en invernadero la respuesta a la inoculación de TMV en tres genotipos: Jaguar, HRM-1 y HN4-59 (INIFAP), que se aplicó en etapa vegetativa y antesis, en nueve tratamientos. Durante el cultivo se registró: altura de planta (AP, cm), diámetro de tallo (DT, cm) y rendimiento (REND, gr/planta), en tres testigos absolutos y cuatro repeticiones por tratamiento, en un diseño experimental de bloques al azar con arreglo de parcelas divididas. Se detectaron niveles del TMV con prueba ELISA-TMV-Pathoscreen (AGDIA®) y se realizaron cuatro lecturas (Biotek Elx808®), a 450 nm (DO), antes y después de inoculaciones, con intervalos de 15 días después de cada inoculación. El análisis estadístico incluyó ANOVA y prueba de diferencia mínima significativa (DMS). La DO fue negativa en los genotipos inoculados en las etapas fenológicas estudiadas. Hubo diferencias significativas en las variables estudiadas ( $P \leq 0.05$ ): AP fue mayor en Jaguar y HN4-59 (34.64-38.23\*) que HRM-1 (29.74\*); DT, los tres genotipos similares y REND (230.4-247.25\*) superaron al genotipo antillano HRM-1 (194.75\*). En ausencia del TMV, Jaguar y HN4-59 tuvieron mayor potencial de aclimatación al invernadero.

**Palabras clave:** TMV, Chile, habanero, genotipos, patogenicidad